

La acidosis tubular renal distal: una enfermedad hereditaria en la que no se pueden eliminar los hidrogeniones

Laura Escobar¹, Natalia Mejía², Helena Gil², Fernando Santos²

¹ Departamento de Fisiología. Facultad de Medicina. Universidad Nacional Autónoma de México. Ciudad de México, DF (México)

² Departamento de Pediatría. Universidad de Oviedo. Oviedo (España)

Nefrología 2013;33(3):289-96

doi:10.3265/Nefrologia.pre2012.Oct.11592

RESUMEN

La acidosis tubular renal distal (ATRD) o ATR tipo I se caracteriza por una disminución en la excreción urinaria de los hidrogeniones H⁺ y del amonio. En los niños afectados por ATRD hay retraso en el crecimiento, vómito, estreñimiento, falta de apetito, polidipsia y poliuria, nefrocalcinosis, debilidad y hasta parálisis muscular por la hipopotasemia. En este trabajo se resumen los avances en el estudio genético de la ATRD en algunas poblaciones. La ATRD es heterogénea, por lo que también se analizan los transportadores y canales iónicos que se han identificado en las células intercaladas alfa del túbulo colector, y que podrían explicar los casos de ATRD que no se asocian con los genes hasta ahora estudiados. La ATRD puede ser autosómica dominante o autosómica recesiva. La ATRD autosómica recesiva se manifiesta en los primeros meses de vida, cursa con nefrocalcinosis y sordera temprana o tardía. La ATRD autosómica dominante es menos severa y aparece en la adolescencia o en la etapa adulta, y puede o no presentar nefrocalcinosis. En las células intercaladas alfa de los túbulos colectores se lleva a cabo la excreción urinaria de la carga ácida: los ácidos titulables (fosfatos) y el amonio. La ATRD autosómica recesiva se asocia con mutaciones en los genes *ATP6V1B1*, *ATP6V0A4* y *SLC4A1*, los cuales codifican las subunidades $\alpha 4$ y B1 de la V-ATPasa y el intercambiador de bicarbonato/cloruro AE1, respectivamente. En contraste, la ATRD autosómica dominante se relaciona con mutaciones solo en AE1.

Palabras clave: Acidosis tubular renal distal. Nefrocalcinosis. Polidipsia. Poliuria. Retraso en el crecimiento. Hipopotasemia.

Correspondencia: Laura Escobar

Departamento de Fisiología.

Facultad de Medicina. Universidad Nacional Autónoma de México.

Circuito Interior. Facultad de Medicina. UNAM.

04510 Ciudad de México, DF. México.

atr.funatim@gmail.com

laurae@unam.mx

Distal renal tubular acidosis: a hereditary disease with an inadequate urinary H⁺ excretion

ABSTRACT

*Distal renal tubular acidosis (dRTA) or RTA type I is characterised by reduced H⁺ hydrogen ions and ammonium urinary excretion. In children affected by dRTA there is stunted growth, vomiting, constipation, loss of appetite, polydipsia and polyuria, nephrocalcinosis, weakness and muscle paralysis due to hypokalemia. This work summarises progress made in dRTA genetic studies in populations studied so far. DRTA is heterogeneous and as such, transporters and ion channels are analysed which have been identified in alpha-intercalated cells of the collecting duct, which could explain cases of dRTA not associated with the hitherto studied genes. DRTA can be autosomal dominant or autosomal recessive. Autosomal recessive dRTA appears in the first months of life and progresses with nephrocalcinosis and early or late hearing loss. Autosomal dominant dRTA is less severe and appears during adolescence or adulthood and may or may not develop nephrocalcinosis. In alpha-intercalated cells of the collecting duct, the acid load is deposited into the urine as titratable acids (phosphates) and ammonium. Autosomal recessive dRTA is associated with mutations in genes *ATP6V1B1*, *ATP6V0A4* and *SLC4A1*, which encode subunits $\alpha 4$ and B1 of V-ATPase and the AE1 bicarbonate/chloride exchanger respectively. By contrast, autosomal dominant dRTA is only related to mutations in AE1.*

Keywords: *Distal renal tubular acidosis. Nephrocalcinosis. Polydipsia. Polyuria. Growth retardation. Hypokalemia.*

INTRODUCCIÓN

En la práctica médica diaria el diagnóstico de una enfermedad se basa habitualmente en el estudio de sus manifestaciones clínicas, bioquímicas, radiológicas y anatomopatológicas. Sin embargo, dependemos del desarrollo de la investigación

revisiones cortas

básica para identificar y comprender los mecanismos celulares y moleculares involucrados en la etiología de una enfermedad.

A pesar de los avances en la comprensión de muchas enfermedades, la patogénesis de muchas otras ha permanecido en el desconocimiento. En muchos casos, aunque existan factores específicos que se asocian con la enfermedad, no logramos distinguir si estos están casualmente relacionados con ella o en realidad son una consecuencia.

Actualmente los estudios genéticos pueden revelarnos los genes involucrados en una enfermedad cuyo origen es desconocido. La importancia de esta estrategia es que no hay que hacer hipótesis acerca de la patogénesis de la enfermedad, excepto que la variación genética contribuye a la enfermedad y que los genes, que están causalmente relacionados con la enfermedad, pueden identificarse de forma fácil. Durante los últimos 20 años se ha demostrado el enorme poder de este concepto con la identificación de más de 2000 genes relacionados con enfermedades, y que ha revolucionado nuestra visión sobre su origen.

Existen varias enfermedades genéticas en por lo menos el 10 % de los pacientes con insuficiencia renal¹, así como factores genéticos que influyen en la progresión del daño crónico en las enfermedades renales adquiridas^{2,4}. Las enfermedades renales hereditarias tienen frecuencias variables; por ejemplo, la enfermedad poliquística del riñón autosómica dominante es la más frecuente y afecta a 1 de cada 1000 personas. En contraste, el resto de las enfermedades renales hereditarias son poco frecuentes, lo que significa que estas solo impactan en menos de 5 personas por cada 10,000¹.

No hay duda de que las enfermedades renales hereditarias deterioran la calidad de vida de los pacientes. Desafortunadamente, nuestro conocimiento de la mayoría de estas enfermedades está limitado por su baja incidencia, la variabilidad fenotípica, la falta de procedimientos diagnósticos estandarizados y la fragmentación de la información clínica y biológica que se obtiene de los estudios con grupos reducidos. Por otra parte, la baja prevalencia de estas enfermedades no atrae el interés de la industria farmacéutica y el financiamiento para su investigación es escaso. No obstante, el estudio de las enfermedades «raras» representa una oportunidad única para elucidar su origen y comprender el complejo andamiaje molecular que explica el funcionamiento de un órgano y lo que provoca su deterioro.

El desarrollo vertiginoso de las tecnologías para la secuenciación del exoma y de todo el genoma abre nuevas perspectivas para el diagnóstico de las más de 17.000 enfermedades mendelianas o monogénicas. Por otra parte, el estudio funcional de las proteínas mutadas en modelos animales y en modelos celulares permite comprender la etiología de la enfermedad y constituye el marco de referencia para el diseño

farmacológico y/o la prevención de los efectos tóxicos de algunas drogas^{5,6}.

ACIDOSIS METABÓLICA

La acidosis metabólica se caracteriza por una disminución del pH sanguíneo con caída en las concentraciones plasmáticas del bicarbonato. En individuos con respuesta respiratoria intacta, la acidosis metabólica causa hiperventilación compensatoria que mitiga la caída del pH sanguíneo. En consecuencia, la homeostasis del pH sanguíneo se mantiene como resultado del cociente de concentración: bicarbonato/CO₂, el cual es el amortiguador celular y sanguíneo por excelencia.

El pH extracelular se debe mantener dentro de un margen muy estrecho de 7,38-7,42. La homeostasis del pH es crítica para el funcionamiento de las células y, en consecuencia, de nuestros órganos. Un pH sanguíneo más ácido del normal puede ser el resultado de: una acumulación de ácidos (acidosis láctica, cetoacidosis, insuficiencia renal), la pérdida de bicarbonato por el tracto gastrointestinal (como es el caso de una diarrea crónica o mala absorción⁷) y la pérdida de bicarbonato por un defecto en su reabsorción renal o por su consumo, como consecuencia de un defecto de la excreción urinaria de los hidrogeniones por el riñón (acidosis hiperclorémica o acidosis tubular renal distal, ATRD)⁸⁻¹³.

El catabolismo de los alimentos ingeridos y el de los metabolitos de nuestras propias células produce dos tipos de ácidos: volátiles (CO₂) y no volátiles (sulfúrico, fosfórico y amonio). La ingesta de las proteínas produce una carga ácida que se traduce en iones H⁺: de 1 mEq/kg/día en el adulto y del doble en el niño^{12,14}. Los ácidos circulantes consumen el bicarbonato presente en el plasma; sin embargo, el riñón puede compensar esta pérdida gracias a que produce y reabsorbe el bicarbonato.

BALANCE ÁCIDO-BASE EN EL RIÑÓN

El riñón mantiene y controla el equilibrio ácido-base de la sangre a través de tres mecanismos: la filtración y la reabsorción del bicarbonato, la excreción de los ácidos (o de álcali) y la síntesis de amonio y de bicarbonato. En el riñón se llevan a cabo dos procesos bioquímicos acoplados: la reabsorción del bicarbonato y la síntesis, secreción, reciclaje y excreción urinaria del amonio.

La presencia de múltiples sistemas de transporte en los diferentes segmentos de los túbulos de la nefrona hace posible recuperar todo el bicarbonato (HCO₃⁻) filtrado (4320 mmol/día) en el glomérulo¹⁴. En los primeros segmentos tubulares de la nefrona, los túbulos proximales reabsorben cerca del 80 % del bicarbonato. En este segmento tubular la reabsorción del bicarbonato ocurre a través del cotransportador Na⁺/HCO₃⁻

(NBCe1); esta absorción esta acoplada a la secreción de ácido en la orina por el intercambiador Na^+/H^+ (NHE3)¹⁵. En los túbulos proximales se reabsorbe la glutamina circulante a partir de la cual se sintetizan simultáneamente amonio y bicarbonato.

La reabsorción del 15 % del bicarbonato ocurre en el asa gruesa ascendente de Henle y solo cerca del 5 % del bicarbonato se recupera en los túbulos distales de la nefrona^{16,17}. Por último, el riñón elimina la carga ácida en la orina: el fosfato diácido H_2PO_4^- (ácido titulable) y el sulfato de amonio.

IMPORTANCIA DE LA ACIDIFICACIÓN URINARIA

La acidificación de la orina, junto con la excreción de citratos, es fundamental en la eliminación de las sales inorgánicas y orgánicas en forma soluble. Los amortiguadores urinarios son los fosfatos, pero en mayor grado lo es el amonio/amoniaco.

La ingesta de una carga ácida como es una comida rica en proteínas provoca que los riñones produzcan una orina más ácida ($\text{pH} < 5,5$); también disminuye la velocidad de excreción del bicarbonato y aumenta la de los fosfatos y la del amonio¹⁸⁻²¹.

MECANISMOS DE TRANSPORTE QUE PARTICIPAN EN LA HOMEOSTASIS ÁCIDO-BASE EN LAS CÉLULAS INTERCALADAS ALFA

La secreción de hidrogeniones H^+ en la orina se lleva a cabo en las células intercaladas alfa de los túbulos colectores corticales y medulares (figura 1). La ATPasa de H^+ , V-ATPasa, cataliza el paso de H^+ del citoplasma a la luz tubular. La anhidrasa carbónica CA2 produce los hidrogeniones H^+ , y simultáneamente el bicarbonato se reabsorbe a través del intercambiador de $\text{Cl}^-/\text{HCO}_3^-$, correspondiente a la isoforma AE1. El mecanismo de excreción del amonio se lleva a cabo en dos etapas: primero se captura del espacio intersticial al citoplasma por canales de amonio activados por el voltaje HCN2²¹ y por los canales de amoniaco Rhcg²⁰. Los canales HCN2 son constitutivos, pueden captar amonio y/o sodio y no se regulan por acidosis metabólica²¹. En contraste, los canales de amoniaco Rhcg se localizan tanto en membranas apicales como en membranas basolaterales²², y su tráfico a las membranas se regula por acidosis metabólica²⁰.

INTERCAMBIADOR DE $\text{Cl}^-/\text{HCO}_3^-$: AE1

El gen *SLC4A1* codifica el intercambiador AE1, una glicoproteína dimérica con 12-14 dominios transmembrana²³⁻²⁵ (figura 2). Hay tres genes en la familia AE1; en los tejidos en los que se expresa, AE1 participa en la regulación del pH, el

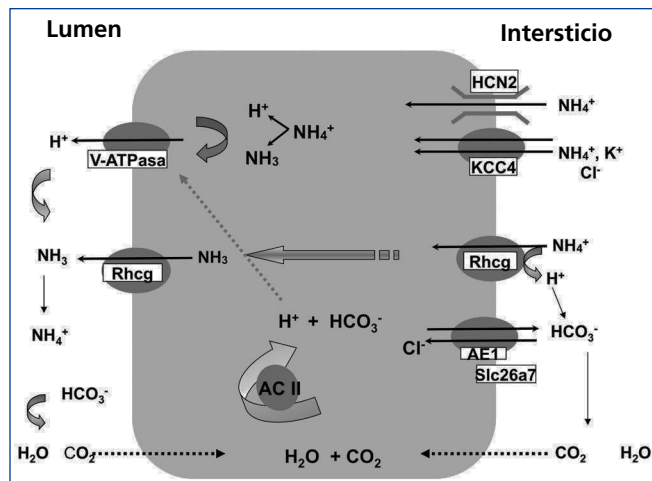


Figura 1. Modelo de una célula intercalada alfa secretora de ácido.

La captación de amonio (NH_4^+) se lleva a cabo en la membrana basolateral. El amonio puede captarse a través de tres vías: el transportador KCC4⁴², el canal de amoniaco Rhcg²⁰ y el canal de amonio HCN2²¹. Desde el citoplasma, la V-ATPasa transporta los H^+ al lumen y produce los ácidos titulables, en tanto que los canales de amoniaco Rhcg transportan y excretan el amoniaco en la orina.

volumen celular y el transporte transcelular de ácido y de base en las células epiteliales²⁶⁻²⁸.

AE1 presenta una isoforma específica de los eritrocitos y una isoforma corta específica del riñón²⁹. En los eritrocitos AE1, además de intercambiar cloruro por el bicarbonato del plasma, tiene un papel estructural al interactuar con proteínas del citoesqueleto que contribuyen al tráfico de AE1 y a su estabilidad en la membrana plasmática²³. En consecuencia, AE1 juega un papel central en la respiración al transportar y eliminar el CO_2 por los pulmones y en la homeostasis ácido-base en el riñón³⁰. En el riñón, AE1 lleva a cabo la reabsorción del bicarbonato hacia el espacio intersticial y los vasos sanguíneos³¹. Hay un grupo de mutaciones en AE1 que producen deformaciones en el eritrocito y cuyo origen es hereditario autosómico dominante: la anemia esferocítica hereditaria, la ovalocitosis del sur de Asia y otras estomatocitosis con una función normal del riñón³². Hay otra serie de mutaciones en AE1 que generan ATRD asociada a problemas en los eritrocitos^{10,33,34}. Se pueden consultar las mutaciones en AE1 en: www.ensembl.org y www.hgmd.org

V-ATPasa

La H-ATPasa vacuolar (V-ATPasa) pertenece a una familia de bomba de hidrogeniones H^+ y se localiza en una variedad de membranas: endosomas, lisosomas, vesículas secretoras y en las membranas plasmáticas de eucariontes³⁵⁻³⁷. La

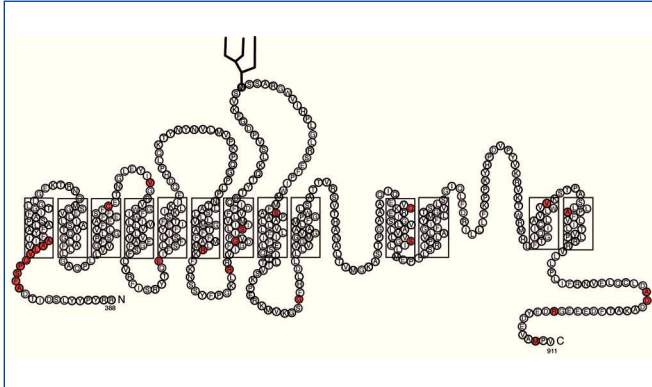


Figura 2. Topología del intercambiador Cl/HCO_3^- AE1 del eritrocito.

La isoforma AE1 renal no tiene los primeros 65 aminoácidos del NH_2 -terminal del AE1 del eritrocito. En rojo se señalan los aminoácidos que se han encontrado mutados en AE1 y que producen anemia esferocítica, ovalocitosis y otras estomacitosis. En la ATRD autosómica dominante las mutaciones se localizan en los dominios transmembrana y en el dominio citoplásmico del COOH terminal. Las mutaciones que se asocian con la ATRD autosómica recesiva son: E90K, $\Delta 400$ -408, C479W, V488M, E522K, R589H, R589C, R589S, R602H, G609R, S613F, S667P, G701D, Q759H, S773P y $\Delta V850$ ¹³.

Figura por cortesía de Pamela Bonar y Joseph Casey²⁵, y modificada por los autores.

V-ATPasa es una enzima compleja multimérica que consta de 14 subunidades (figura 3); tiene dos dominios: uno en el citoplasma (V_1) y otro en la membrana (V_0). V_1 es el dominio catalítico y consta de 8 subunidades (A-H). El dominio V_0 abarca 6 subunidades (a, c, c', d, e, y Ac45 en mamíferos) y transloca los H^+ a través de la membrana^{35,37}. Hay tres copias de las subunidades A y B que se alternan en un arreglo en forma de anillo (figura 3). Los sitios catalíticos están en la subunidad A1 y la interfase entre las subunidades A-B regula la actividad de la enzima^{38,39}. La subunidad «a» en V_0 permite el acceso a los hemicanales por los que se exportan los hidrogeniones H^+ al espacio luminal³⁷. Hay cuatro isoformas de la subunidad «a» (a1-a4) y tienen un 47-61 % de identidad en los humanos³⁵. La subunidad «a» además participa en el tráfico de la V-ATPasa en las células de mamíferos³⁷.

En las células intercaladas alfa del túbulo colector, la V-ATPasa se localiza en las membranas apicales y secreta H^+ en la orina (figura 1)³⁵. Las subunidades, B1 y a4 de la V-ATPasa son específicas de las células intercaladas alfa del túbulo colector. Los defectos en estas dos subunidades dan lugar a la «acidosis tubular renal distal» o ATRD^{9,40}. Como la subunidad B1 además se expresa en las células ciliares del oído interno⁹, las mutaciones en la subunidad B1 producen ATRD con sordera.

El gen *ATP6V1B1* codifica la subunidad B1 y comprende 14 exones que producen una proteína de 513 aminoácidos. El gen *ATP6V0A4* tiene 24 exones de los cuales 20 codifican la subunidad a4 con 840 aminoácidos³⁵.

Existen otros sistemas de transporte en las células intercaladas alfa de la nefrona distal que también participan en la homeostasis ácido-base, como son: la anhidrasa carbónica II⁴¹, el cotransportador de potasio/cloruro KCC4^{42,43}, el canal de amoníaco Rhcg^{20,44} y el canal de amonio HCN2 (figura 1)²¹. La H-K-ATPasa presente en la membrana apical de las células intercaladas alfa no parece participar en la secreción de ácido, sino en la reabsorción de K^+ en condiciones de hipopotasemia^{40,45}.

En la figura 1 se ilustran los transportadores, canales iónicos y la V-ATPasa en las células intercaladas alfa del túbulo colector. Es importante subrayar que la transcripción, la traducción y el tráfico a la membrana de muchos de los transportadores y canales iónicos dependen de las condiciones metabólicas.

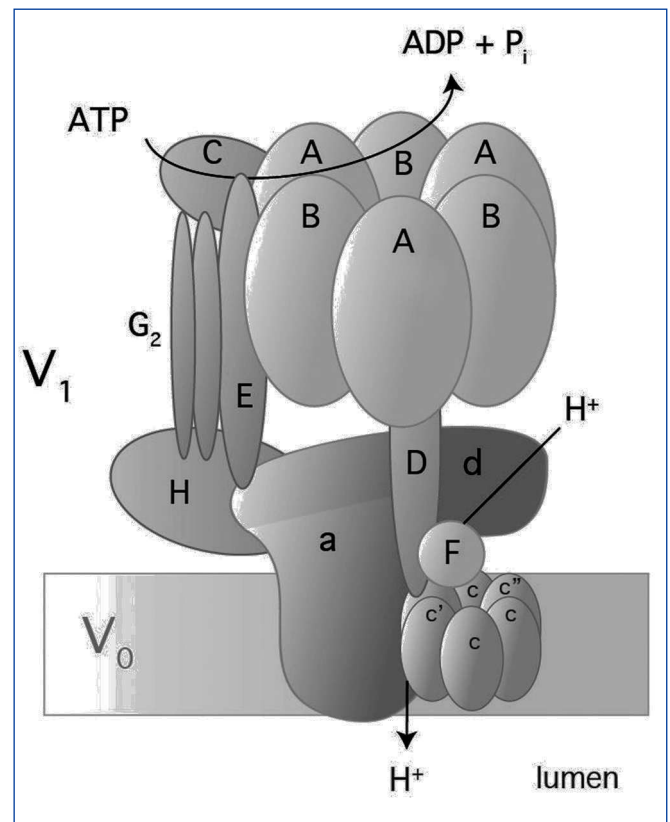


Figura 3. Estructura y composición de la V-ATPasa de humano.

En el dominio V_0 transmembrana se encuentran las subunidades a, c, c', d, e, Ac45 (no se muestra). V_0 participa en la translocación de los iones H^+ . Hay ocho subunidades en el dominio catalítico V_1 del citoplasma: A, B, C, D, E, F, G y H. Modificada de Forgacs M³⁷.

Los ensayos de microperfusión de túbulos y los modelos *knockout* en ratón han ayudado a dilucidar las vías de transporte que participan en la homeostasis ácido-base en las células intercaladas alfa. Por ejemplo, el ratón que no expresa KCC4 desarrolla sordera neurosensorial, además de ATRD⁴². Hay otro intercambiador de Cl/bicarbonato que opera también como canal de Cl, el Slc26a7, que se activa por hipertonicidad⁴⁶. El ratón Slc26a7 *-/-* desarrolla ATRD⁴⁷. Llama la atención que los ratones que no expresan el canal de amonio (Rhcg *-/-*) tienen problemas en excretar el amonio solo en condiciones de acidosis metabólica, como es el caso de una ATRD incompleta⁴⁴. El canal de amonio HCN2 es un canal iónico constitutivo que participa en la excreción basal de amonio pero no parece estar regulado por acidosis metabólica²¹.

ACIDOSIS TUBULAR RENAL DISTAL

La ATRD pertenece al grupo de enfermedades renales de baja incidencia en la población.

En la ATRD se pierde la capacidad para acidificar la orina por un defecto en la excreción de la carga ácida (iones H⁺ y amonio) en las células intercaladas alfa del túbulo colector. La acumulación de la carga ácida en la nefrona distal tiene como consecuencia el consumo y disminución del amortiguador bicarbonato/CO₂ en la sangre. Los síntomas que acompañan a la ATRD son: retraso en el crecimiento, vómito, diarrea y/o estreñimiento, falta de apetito, polidipsia y poliuria, nefrocalcinosis; también puede presentarse debilidad y parálisis muscular por la pérdida de potasio (hipopotasemia).

Para poder diagnosticar la ATRD en la clínica es necesario determinar la creatinina plasmática y las excreciones fraccionales de sodio, potasio y cloro, la calciuria y la citraturia. Generalmente se observa acidosis en la sangre (pH < 7,35) y una disminución pronunciada de la concentración del bicarbonato y del CO₂ (< 15 mEq/l). En la ATRD el pH de la orina es mayor de 6 en presencia de acidosis metabólica sistémica.

Para los casos cuyo diagnóstico está en duda, como en la ATRD incompleta, es recomendable aplicar pruebas de acidificación. Estas pruebas consisten en la administración de NH₄Cl, determinándose a continuación: el pH, la acidez titulable y la excreción urinaria de amonio⁴⁸. Debido a las complicaciones de esta prueba en los niños, se puede evaluar la capacidad de acidificación con la determinación de la pCO₂ urinaria máxima (UpCO₂) con la ingesta de bicarbonato de sodio (4 mEq/kg)⁴⁹. La prueba de la pCO₂ urinaria se puede realizar con estímulos de bicarbonato sodio, acetazolamida o ambos juntos, en este caso administrados a la mitad de las dosis habituales. Otra prueba es la de furosemida con fludrocortisona^{49,52}.

Las pruebas diagnósticas confirman la imposibilidad de excretar la carga ácida al observarse un pH urinario mayor a 5,5.

Los estudios de ultrasonido en los pacientes con ATRD muestran la presencia de depósitos de calcio en el tejido renal (nefrocalcinosis) y/o de cálculos en las vías urinarias (nefrolitiasis).

La acidosis crónica y los problemas secundarios intercurrentes (vómitos, poliuria, crisis de deshidratación, rechazo de tomas, etc.) afectan el crecimiento y, en consecuencia, hay una disminución de la talla y el peso de los pacientes.

La ATRD se acompaña de hipercloremia como consecuencia de la disminución del HCO₃⁻ en la sangre. En la ATRD se observa hipopotasemia ([K] < 3,5 mEq/l), hipercalciuria e hipocitraturia. La hipercalciuria se produce cuando la excreción urinaria de calcio es mayor de 4 mg/kg/día tanto en adultos como en niños. Hay que considerar que el cociente urinario calcio/creatinina en lactantes varía con la edad. Los valores normales según la edad son: de 0-6 meses, < 0,8 mg/mg; de 6 a 12 meses, < 0,6 mg/mg; de 1 a 2 años, < 0,5 mg/mg⁵³. En adultos se considera hipocitraturia un valor inferior a 300 mg/día para ambos sexos y/o un valor del cociente citrato/creatinina inferior a 250 mg/g. En niños se considera hipocitraturia valores inferiores a 8 mg/kg/día y/o un cociente citrato/creatinina menor de 400 mg/g⁵³.

Es importante destacar que la eliminación de calcio en la orina es alta en los lactantes y disminuye progresivamente con la edad. Por consiguiente, es más relevante la hipocitraturia en el desarrollo de la nefrocalcinosis y de la urolitiasis, en las que se depositan principalmente sales de fosfatos de calcio. Llama la atención que también se han encontrado casos de ATRD sin hipercalciuria⁵⁴.

Los pacientes con ATRD cursan con una brecha aniónica (anión restante) urinaria positiva y una brecha aniónica del plasma normal ([Na⁺] + [K⁺] - [Cl⁻]), que la distingue de otro tipo de acidosis, como son la cetoacidosis, la acidosis láctica y la acidosis por intoxicación con solventes o medicamentos, con brecha aniónica del plasma mayor de la normal⁷.

Sin tratamiento, la ATRD provoca la detención del crecimiento, el raquitismo en los niños y la osteomalacia en los adultos, y el deterioro de la función renal a través de los años.

Afortunadamente, la ATRD tiene un buen pronóstico si se diagnostica a edades tempranas y se sigue el tratamiento alcalino, el cual consiste en dosis periódicas de bicarbonato de sodio y/o de citrato de potasio durante el día.

FORMAS HEREDITARIAS DE LA ACIDOSIS TUBULAR RENAL

Las mutaciones en un gen producen efectos variables: codones de terminación prematuros, corrimiento del marco abierto de lectura, procesamiento alternativo del ARN y cambios en la naturaleza química de más de uno de los aminoácidos.

Las mutaciones provocan alteraciones estructurales en las proteínas que pueden conducir a la pérdida de su función.

En la ATRD autosómica dominante, uno de los padres padece y es el portador de la enfermedad. Los grupos de Michael Tanner de la Universidad de Bristol y de Fiona Karet del Instituto de Investigación Médica de Cambridge, Reino Unido, fueron los primeros en identificar mutaciones en el gen *SLC4A1* en familias con ATRD autosómica dominante^{55,56}. Las mutaciones de AE1 en la ATRD autosómica dominante son siempre heterocigotas. La pérdida de la función del AE1 en el eritrocito produce las enfermedades esferocitosis hereditaria y la ovalocitosis⁵⁵.

La isoforma AE1 específica del riñón es más corta: no tiene los primeros 65 aminoácidos del NH₂-terminal del AE1 del eritrocito. En consecuencia, en la ATRD autosómica dominante solo se afecta la función renal del paciente cuando las mutaciones en AE1 se localizan en el dominio transmembrana y en el carboxilo terminal (figura 2)^{23,25,32,57-59}.

La ATRD autosómica dominante aparece en la infancia tardía o en la edad adulta.

LA ACIDOSIS TUBULAR RENAL DISTAL AUTOSÓMICA RECESIVA ES HETEROGÉNEA

En la ATRD autosómica recesiva, los padres no padecen la enfermedad; solo son portadores. Los síntomas se presentan desde los primeros meses de vida. La ATRD autosómica recesiva se asocia con mutaciones en alguno de los genes siguientes: *SLC4A1*⁶⁰, *ATP6V0A4* y *ATP6V1B1*^{10,54,61}.

El grupo de Fiona Karet fue pionero en llevar a cabo los estudios de linaje en familias con ATRD autosómica recesiva⁹. Las familias que se analizaron fueron de origen turco y, en su mayoría, de matrimonios consanguíneos. La edad de los niños con ATRD autosómica recesiva que participaron en el estudio se mantuvo en un rango de 1 mes hasta 3 años; todos presentaron nefrocalcinosis e hipercalcemia, y más del 50 %, sordera neurosensorial. Hasta ahora se han encontrado cerca de 20 mutaciones en el gen *ATP6V1B1*^{9,54,61,62}. La mayoría de las mutaciones son homocigotas y excepcionalmente heterocigotas compuestas. Estos hallazgos revelaron además que la enzima H-K-ATPasa, presente en las células intercaladas alfa, no puede compensar la falta del funcionamiento de la V-ATPasa⁹.

Es interesante un caso de gemelos dicigotos con sordera en el que solo uno de ellos desarrolló ATRD autosómica recesiva⁶³.

Hay ATRD en la que la sordera aparece a partir de la segunda década de la vida y está asociada con mutaciones en el gen *ATP6V0A4*^{40,61,64}. Hasta ahora se conocen más de 20 mutaciones en *ATP6V0A4* (www.ensembl.org y www.hgmd.org).

Aproximadamente, el 20 % de los casos con ATRD no se asocia con mutaciones en ninguno de estos genes: hay pacientes con ATRD con sordera que no tienen mutaciones en el gen *ATP6V1B1*, y otros con audición normal que no presentan mutaciones en el gen *ATP6V0A4*. Estos hallazgos sugieren que otro de los transportadores o canales de las células intercaladas alfa (figura 1) estaría mutado. Por consiguiente, la ATRD recesiva es heterogénea porque puede producirse por mutaciones en más de un gen.

Se han encontrado mutaciones en los genes *ATP6V1B1* y *ATP6V0A4* en grupos de origen árabe^{10,61} e italiano⁶⁵; y solo mutaciones en *ATP6V1B1* en españoles⁵⁴, griegos⁶⁶, iraníes⁶⁷ y serbios⁶⁸.

Las mutaciones en el gen *SLC4A1* que codifica el intercambiador de Cl⁻/HCO₃⁻ AE1 también producen ATRD autosómica recesiva. Hasta ahora se conocen 11 mutaciones del gen *SLC4A1* que producen ATRD, además de ovalocitosis o esferocitosis¹³ (figura 3). Las mutaciones en AE1 se han encontrado en su mayoría en la población de origen asiático. Los casos de ATRD en Asia son un ejemplo de la selección natural debido a que estos son resistentes a la malaria.

En conclusión, los estudios genéticos han contribuido a la identificación de tres de los genes afectados en la ATRD. El estudio genético de nuevos marcadores moleculares, como son los transportadores Slc26a7 y KCC4 o los canales Rhcg y HCN2 en los pacientes con ATRD, constituye un reto en la identificación de nuevos blancos moleculares que ayuden a la comprensión de esta enfermedad y, en consecuencia, de la homeostasis ácido-base en el riñón.

Conflictos de interés

Los autores declaran que no tienen conflictos de interés potenciales relacionados con los contenidos de este artículo.

Laura Escobar recibe bolsas de viaje y financiación de la Dirección General de Asuntos del Personal Académico (DGAPA) de la Universidad Nacional Autónoma de México y de la Fundación Carolina.

REFERENCIAS BIBLIOGRÁFICAS

1. Devuyst O, Antignac C, Bindels RJM, Chauveau D, Emma F, Gansevoort R, et al. The ERA-EDTA Working Group on inherited kidney disorders. *Nephrol Dial Transplant* 2012;27:67-9.
2. Chambers JC, Zhao J, Terracciano CMN, Bezzina CR, Zhang W, Kaba R, et al. Genetic variation in SCN10A influences cardiac conduction. *Nat Genet* 2010;42:149-52.
3. Köttgen A. Genome-wide association studies in nephrology research. *Am J Kidney Dis* 2010;56:743-58.

4. Böger CA, Gorski M, Li M, Hoffmann MM, Huang C, Yang Q, et al. Association of eGFR-Related Loci Identified by GWAS with Incident CKD and ESRD. *PLoS Genet* 2011;7:e1002292.
5. Ong ACM, Devuyst O. Towards the integration of genetic knowledge into clinical practice. *Nephron Clin Pract* 2011;118:c3-8.
6. Dunoyer M. Accelerating access to treatments for rare diseases. *Nat Rev Drug Discov* 2011;10:475-6.
7. Kraut JA, Madias NE. Metabolic acidosis: pathophysiology, diagnosis and management. *Nat Rev Nephrol* 2010;6:274-85.
8. Rodríguez Soriano J. Renal tubular acidosis: the clinical entity. *J Am Soc Nephrol* 2002;13:2160-70.
9. Karet FE, Finberg KE, Nelson RD, Nayir A, Mocan H, Sanjad SA, et al. Mutations in the gene encoding B1 subunit of H⁺-ATPase cause renal tubular acidosis with sensorineural deafness. *Nat Genet* 1999;21:84-90.
10. Karet FE. Inherited distal renal tubular acidosis. *J Am Soc Nephrol* 2002;13:2178-84.
11. Fry AC, Karet FE. Inherited renal acidoses. *Physiology (Bethesda)* 2007;22:202-11.
12. Chan JCM SF. Renal tubular acidosis in childhood. *World J Pediatr* 2007;3:92-7.
13. Alper SL. Familial renal tubular acidosis. *J Nephrol* 2010;23 Suppl 1:S57-76.
14. Boron WF BEL. Transport of Acids and Bases. In: Boron WF, Boulpaep EL (eds.). *Medical Physiology*. Estados Unidos: Elsevier; 2003. p. 845-60.
15. Hamm LL, Alpern RJ PP. Cellular mechanisms of renal tubular acidification. In: Alpern RJ, Hebert SC (eds.). *The Kidney: Physiology and Pathophysiology*. Estados Unidos: Elsevier; 2008. p. 1539-85.
16. DuBose TD, Good DW, Hamm LL, Wall SM. Ammonium transport in the kidney: new physiological concepts and their clinical implications. *J Am Soc Nephrol* 1991;1:1193-203.
17. Attmane-Elakeb A, Amlal H, Bichara M. Ammonium carriers in medullary thick ascending limb. *Am J Physiol Renal Physiol* 2001;280:F1-9.
18. Hamm LL, Simon EE. Roles and mechanisms of urinary buffer excretion. *Am J Physiol* 1987;253:F595-605.
19. Wagner CA, Devuyst O, Bourgeois S, Mohebbi N. Regulated acid-base transport in the collecting duct. *Pflugers Arch* 2009;458:137-56.
20. Weiner ID, Verlander JW. Role of NH₃ and NH₄ transporters in renal acid-base transport. *Am J Physiol Renal Physiol* 2011;300:F11-23.
21. Carrisoza-Gaytán R, Rangel C, Salvador C, Saldaña-Meyer R, Escalona C, Satlin LM, et al. The hyperpolarization-activated cyclic nucleotide-gated HCN2 channel transports ammonium in the distal nephron. *Kidney Int* 2011;80:832-40.
22. Seshadri RM, Klein JD, Smith T, Sands JM, Handlogten ME, Verlander JW, et al. Changes in subcellular distribution of the ammonia transporter, Rhcg, in response to chronic metabolic acidosis. *Am J Physiol Renal Physiol* 2006;290:F1443-52.
23. Alper SL. Molecular physiology and genetics of Na⁻independent SLC4 anion exchangers. *J Exp Biol* 2009;212:1672-83.
24. Alper SL. Molecular physiology of SLC4 anion exchangers. *Exp Physiol* 2006;91(1):153-61.
25. Bonar PT, Casey JR. Plasma membrane Cl⁻/HCO₃⁻ exchangers. *Channels (Austin)* 2008;2:337-45.
26. Kopito RR. Molecular biology of the anion exchanger gene family. *Int Rev Cytol* 1990;123:177-99.
27. Alper SL. The band 3-related anion exchanger (AE) gene family. *Annu Rev Physiol* 1991;53:549-64.
28. Tanner MJ. The major integral proteins of the human red cell. *Baillieres Clin Haematol* 1993;6:333-56.
29. Pushkin A, Kurtz I. SLC4 base (HCO₃⁻, CO₃²⁻) transporters: classification, function, structure, genetic diseases, and knockout models. *Am J Physiol Renal Physiol* 2006;290:F580-99.
30. Kollert-Jöns A, Wagner S, Hübner S, Appelhans H, Drenckhahn D. Anion exchanger 1 in human kidney and oncocyoma differs from erythroid AE1 in its NH₂ terminus. *Am J Physiol* 1993;265:F813-21.
31. Wagner CA, Kovacicova J, Stehberger PA, Winter C, Benabbas C, Mohebbi N. Renal acid-base transport: old and new players. *Nephron Physiol* 2006;103:p1-6.
32. Bruce LJ, Wrong O, Teye AM, Young MT, Ogle G, Ismail Z, et al. Band 3 mutations, renal tubular acidosis and South-East Asian ovalocytosis in Malaysia and Papua New Guinea: loss of up to 95% band 3 transport in red cells. *Biochem J* 2000;350:41-51.
33. Alper SL. Genetic diseases of acid-base transporters. *Annu Rev Physiol* 2002;64:899-923.
34. Yusoff NM, Van Rostenberghe H, Shirakawa T, Nishiyama K, Amin N, Darus Z, et al. High prevalence of Southeast Asian ovalocytosis in Malays with distal renal tubular acidosis. *J Hum Genet* 2003;48:650-3.
35. Wagner CA, Finberg KE, Breton S, Marshansky V, Brown D, Geibel JP. Renal vacuolar H⁺-ATPase. *Physiol Rev* 2004;84:1263-314.
36. Kane PM. Close-up and genomic views of the yeast vacuolar H⁺-ATPase. *J Bioenerg Biomembr* 2005;37:399-403.
37. Forgac M. Vacuolar ATPases: rotary proton pumps in physiology and pathophysiology. *Nat Rev Mol Cell Biol* 2007;8:917-29.
38. MacLeod KJ, Vasilyeva E, Baleja JD, Forgac M. Mutational analysis of the nucleotide binding sites of the yeast vacuolar proton-translocating ATPase. *J Biol Chem* 1998;273:150-6.
39. Vasilyeva E, Liu Q, MacLeod KJ, Baleja JD, Forgac M. Cysteine scanning mutagenesis of the noncatalytic nucleotide binding site of the yeast V-ATPase. *J Biol Chem* 2000;275:255-60.
40. Smith AN, Skaug J, Choate KA, Nayir A, Bakalloglu A, Ozen S, et al. Mutations in ATP6N1B, encoding a new kidney vacuolar proton pump 116-kD subunit, cause recessive distal renal tubular acidosis with preserved hearing. *Nat Genet* 2000;26:71-5.
41. Sly WS, Hewett-Emmett D, Whyte MP, Yu YS, Tashian RE. Carbonic anhydrase II deficiency identified as the primary defect in the autosomal recessive syndrome of osteopetrosis with renal tubular acidosis and cerebral calcification. *Proc Natl Acad Sci U S A* 1983;80:2752-6.
42. Boettger T, Hübner CA, Maier H, Rust MB, Beck FX, Jentsch TJ. Deafness and renal tubular acidosis in mice lacking the K-Cl cotransporter Kcc4. *Nature* 2002;416:874-8.
43. Lang F, Vallon V, Knipper M, Wangemann P. Functional significance of channels and transporters expressed in the inner ear and kidney. *Am J Physiol Cell Physiol* 2007;293:C1187-208.
44. Biver S, Belge H, Bourgeois S, Van Vooren P, Nowik M, Scohy S, et al. A role for Rhesus factor Rhcg in renal ammonium excretion and male fertility. *Nature* 2008;456:339-43.

45. Gumz ML, Lynch IJ, Greenlee MM, Cain BD, Wingo CS. The renal H⁺-K⁺-ATPases: physiology, regulation, and structure. *Am J Physiol Renal Physiol* 2010;298:F12-21.
46. Xu J, Worrell RT, Li HC, Barone SL, Petrovic S, Amlal H, et al. Chloride/bicarbonate exchanger SLC26A7 is localized in endosomes in medullary collecting duct cells and is targeted to the basolateral membrane in hypertonicity and potassium depletion. *J Am Soc Nephrol* 2006;17:956-67.
47. Xu J, Song P, Nakamura S, Miller M, Barone S, Alper SL, et al. Deletion of the chloride transporter *slc26a7* causes distal renal tubular acidosis and impairs gastric acid secretion. *J Biol Chem* 2009;284:29470-9.
48. Wrong O, Davies HE. The excretion of acid in renal disease. *Q J Med* 1959;28:259-313.
49. García Nieto V, Monge M, Hernández Hernández L, Callejón A, Yanes MI, García Rodríguez VE. Study of the renal acidification capacity in children diagnosed of idiopathic hypercalciuria. *Nefrología* 2003;23:219-24.
50. Battle DC. Segmental characterization of defects in collecting tubule acidification. *Kidney Int* 1986;30:546-54.
51. Viljoen A, Norden AGW, Karet FE. Replacing the short ammonium chloride test. *Kidney Int* 2007;72:1163; author reply 1164.
52. Walsh SB, Shirley DG, Wrong OM, Unwin RJ. Urinary acidification assessed by simultaneous furosemide and fludrocortisone treatment: an alternative to ammonium chloride. *Kidney Int* 2007;71:1310-6.
53. Garcia-Nieto V, Santos F. Función renal basal. En: García-Nieto V, Rodríguez-Isturbe B, Santos F (eds.). *Nefrología Pediátrica*. 2ª ed. Madrid: Aula Médica; 2006. p. 39-49.
54. Gil H, Santos F, García E, Alvarez MV, Ordóñez FA, Málaga S, et al. Distal RTA with nerve deafness: clinical spectrum and mutational analysis in five children. *Pediatr Nephrol* 2007;22(6):825-8.
55. Bruce LJ, Cope DL, Jones GK, Schofield AE, Burley M, Povey S, et al. Familial distal renal tubular acidosis is associated with mutations in the red cell anion exchanger (Band 3, AE1) gene. *J Clin Invest* 1997;100:1693-707.
56. Karet FE, Gainza FJ, Györy AZ, Unwin RJ, Wrong O, Tanner MJ, et al. Mutations in the chloride-bicarbonate exchanger gene AE1 cause autosomal dominant but not autosomal recessive distal renal tubular acidosis. *Proc Natl Acad Sci* 1998;95:6337-42.
57. Inaba M, Yawata A, Koshino I, Sato K, Takeuchi M, Takakuwa Y, et al. Defective anion transport and marked spherocytosis with membrane instability caused by hereditary total deficiency of red cell band 3 in cattle due to a nonsense mutation. *J Clin Invest* 1996;97:1804-17.
58. Ribeiro ML, Alloisio N, Almeida H, Gomes C, Texier P, Lemos C, et al. Severe hereditary spherocytosis and distal renal tubular acidosis associated with the total absence of band 3. *Blood* 2000;96:1602-4.
59. Chu C, Woods N, Sawasdee N, Guizouarn H, Pellissier B, Borgese F, et al. Band 3 Edmonton I, a novel mutant of the anion exchanger 1 causing spherocytosis and distal renal tubular acidosis. *Biochem J* 2010;426:379-88.
60. Tanphaichitr VS, Sumboonnanonda A, Ideguchi H, Shayakul C, Brugnara C, Takao M, et al. Novel AE1 mutations in recessive distal renal tubular acidosis. Loss-of-function is rescued by glycophorin A. *J Clin Invest* 1998;102:2173-9.
61. Vargas-Poussou R, Houillier P, Le Pottier N, Strompf L, Loirat C, Baudouin V, et al. Genetic investigation of autosomal recessive distal renal tubular acidosis: evidence for early sensorineural hearing loss associated with mutations in the ATP6V0A4 gene. *J Am Soc Nephrol* 2006;17:1437-43.
62. Stover EH, Borthwick KJ, Bavalia C, Eady N, Fritz DM, Rungroj N, et al. Novel ATP6V1B1 and ATP6V0A4 mutations in autosomal recessive distal renal tubular acidosis with new evidence for hearing loss. *J Med Genet* 2002;39:796-803.
63. Santos F, Rey C, Málaga S, Rodríguez LM, Orejas G. The syndrome of renal tubular acidosis and nerve deafness. Discordant manifestations in dizygotic twin brothers. *Pediatr Nephrol* 1991;5:235-7.
64. Karet FE, Finberg KE, Nayir A, Bakkaloglu A, Ozen S, Hulton SA, et al. Localization of a gene for autosomal recessive distal renal tubular acidosis with normal hearing (*rdRTA2*) to 7q33-34. *Am J Hum Genet* 1999;65:1656-65.
65. Andreucci E, Bianchi B, Carboni I, Lavoratti G, Mortilla M, Fonda C, et al. Inner ear abnormalities in four patients with dRTA and SNHL: clinical and genetic heterogeneity. *Pediatr Nephrol* 2009;24:2147-53.
66. Feldman M, Prikis M, Athanasiou Y, Elia A, Pierides A, Deltas CC. Molecular investigation and long-term clinical progress in Greek Cypriot families with recessive distal renal tubular acidosis and sensorineural deafness due to mutations in the ATP6V1B1 gene. *Clin Genet* 2006;69:135-44.
67. Sharifian M, Esfandiari N, Mazaheri S, Kariminejad A, Mohkam M, Dalirani R, et al. Distal renal tubular acidosis and its relationship with hearing loss in children: preliminary report. *Iran J Kidney Dis* 2010;4:202-6.
68. Mohebbi N, Vargas-Poussou R, Hegemann S, Schuknecht B, Kistler A, Wüthrich R, et al. Homozygous and compound heterozygous mutations in the ATP6V1B1 gene in patients with renal tubular acidosis and sensorineural hearing loss. *Clin Genet* 2013;83:274-8.